	Ingénieur d'études en bioinformatique - Research Assistant position in bioinformatics
Ville	Strasbourg
Pays	France
Texte de l'offre	L'agent(e) recruté(e) contribuera à remplir les objectifs de notre équipe en termes d'analyse bioinformatique de données de séquençage de nouvelle génération. Il/Elle sera responsable de la réalisation d'analyses de données portant sur la méthylation de l'ADN (EM-Seq) et l'expression des gènes (RNA-Seq). Ceci impliquant notamment : 1) la réalisation de contrôles qualités des lectures et leur alignement sur le génome murin de référence, 2) pour le RNA-Seq : la quantification de l'expression des gènes et l'analyse d'expression différentielle ; 3) pour l'EM-Seq : la quantification du niveau de méthylation de cytosines individuelles, et l'analyse de méthylation différentielle. Compétences 1) Une expérience préalable dans la recherche en bioinformatique est souhaitée (niveau thèse de préférence) 2) Une expérience préalable dans le traitement et l'analyse de données épigénétiques, de préférence la méthylation de l'ADN, est également souhaitée. 3) L'agent(e) devra faire preuve d'autonomie et d'organisation. 4) Il/Elle sera amené(e) à travailler en équipe avec le chercheur du laboratoire impliqué dans les analyses de ce projet. Lieu L'agent(e) intégrera l'équipe « Neuroanatomie, Douleurs et Psychopathologies » à l'Institut des Neurosciences Cellulaires et Intégratives (INCI UPR 3212). Il/Elle participera au projet « Méthylation de l'ADN et Dépression ». Notre institut offre un

	international, puisque de très nombreuses nationalités sont représentées.
Type d'emploi	Ingénieur - Engineer
Type de contrat	CDD
Rémunération brut mensuelles	
Date limite de candidature	27/11/2020
Date début de fonction	04/01/2021
Information contact	Pierre-Eric Lutz
Votre courriel	mailto:pierreeric.lutz@gmail.com